

仿刺参精酶解工艺的优化及酶解液的抗氧化活性

孙小飞^{1,2}, 罗国瑞¹, 李英美³, 张禹茜¹, 宫慧慧¹, 朱文慧¹, 励建荣¹, 李学鹏^{1*}

(¹渤海大学食品科学与工程学院 辽宁锦州 121013)

(²江苏海洋大学 江苏省海洋生物资源与环境重点实验室 江苏连云港 222000)

(³达莲食品(锦州)有限公司 辽宁锦州 121200)

摘要 作为性腺的仿刺参精富含蛋白质、多糖和多种活性物质,被单独收集并酶解,用于开发新型的海洋活性多肽。选用木瓜蛋白酶水解仿刺参精,以水解度(DH)为评价标准,通过单因素实验和响应面法确定最佳水解条件。当木瓜蛋白酶与底物质量比为4.4%时,在70℃条件下反应4 h,水解度最高可达到43.18%。随后,采用Pall Minimate超滤系统从酶解液中分离梯度肽,得到分子质量范围分别为<1 ku、1~5 ku 和 5~10 ku 的多肽,测定它们对超氧自由基($\cdot\text{O}_2^-$)和羟基自由基($\cdot\text{OH}$)的清除效率。抗氧化试验结果显示,分子质量<1 ku 的多肽对 $\cdot\text{O}_2^-$ 的清除能力最强,表明该肽段具有较好的抗氧化活性。仿刺参精的水解产物作为一种具有抗氧化活性的海洋多肽,有望用于保健品、医药和化妆品行业。

关键词 仿刺参精; 酶解; 响应面法; 抗氧化活性

文章编号 1009-7848(2022)04-0217-08 DOI: 10.16429/j.1009-7848.2022.04.021

仿刺参(*Apostichopus japonicus*)是一种主要分布于中国、俄罗斯、韩国和日本沿海的海参,是重要的海洋食品和药物资源^[1]。仿刺参中生物活性物质的提取和利用一直备受关注,研究主要集中在仿刺参的体壁活性物质方面^[2-7]。性腺和肠道组织属于仿刺参的内脏,作为仿刺参加工过程中的副产物常常被丢弃,没有得到有效利用,从而导致资源浪费和环境污染^[8]。研究表明,仿刺参性腺不仅富含多糖,而且蛋白质、脂肪酸和其它活性成分含量丰富,其中的蛋白质更是优质多肽的来源^[9-11]。现代生物代谢研究表明,蛋白质是通过消化酶作用以多肽的形式被人体吸收^[12-13]。与蛋白质相比,多肽更容易被人体吸收利用,并在人体代谢方面表现出更重要的生物活性,如抗衰老和抗氧化活性等^[14-15]。

人体正常生理代谢过程中会产生少量的活性氧,包括羟基自由基($\cdot\text{OH}$)、超氧自由基($\cdot\text{O}_2^-$)和过氧化氢(H_2O_2)等,这些活性氧在人体中总是处

于产生与消失的动态平衡中^[16-19]。研究表明,适量的活性氧对人体是有益的,通过控制氧自由基的产生,可以消除炎症,增强免疫力以及抑制肿瘤。过量的活性氧则会破坏细胞结构,扰乱人体正常的生理代谢活动,从而造成机体损伤,导致各种疾病产生^[20]。

目前,对于仿刺参的研究主要集中在体壁的组成成分及功能活性方面,而关于仿刺参性腺的研究很少^[21-22]。仿刺参性腺包括卵子和精子,在收集过程中两者极易混合在一起,对于仿刺参卵现有少量的研究成果,主要涉及其营养成分组成^[23-25],而关于仿刺参精的活性研究暂未见报道。本研究中,仿刺参精被单独收集,用木瓜蛋白酶水解,在单因素实验基础上,采用响应面法确定最佳水解条件。采用Pall Minimate超滤系统对酶解液进行处理,收集不同分子质量范围的多肽。据报道,不同分子质量的多肽通常表现出显著差异的抗氧化活性^[26-28]。 $\cdot\text{O}_2^-$ 是所有氧自由基中的第一个自由基,可经一系列反应生成其它氧自由基,具有很强的氧化能力。 $\cdot\text{OH}$ 是化学性质最活泼的活性氧物种,几乎与生物体内所有物质反应,在活性氧中,它的危害最大。本研究测试了收集的3种多肽对 $\cdot\text{O}_2^-$ 和 $\cdot\text{OH}$ 的清除能力,以此考察它们的抗氧化活性。

收稿日期: 2021-08-16

基金项目: 国家自然科学基金青年科学基金项目(31901763);
辽宁省食品安全重点实验室开放课题(LNKLFS
202107);江苏省海洋生物资源与环境重点实验室
开放课题(SH20211205)

作者简介: 孙小飞(1983—),女,博士,讲师

通信作者: 李学鹏 E-mail: xuepengli8234@163.com

1 材料和方法

1.1 材料和试剂

仿刺参精,采集于山东烟台,采集时大部分仿刺参处于性腺成熟期。将仿刺参解剖后,收集仿刺参精并均质,在-20℃下储存备用。

木瓜蛋白酶(酶活性:100万U/g),中国南宁庞博生物工程有限公司;牛血清白蛋白,中国上海蓝基科技发展有限公司;超氧自由基、羟基自由基检测试剂盒,南京建成生物工程研究所;其它化学品和试剂均为分析纯级。

1.2 试验方法

1.2.1 仿刺参精的酶解 仿刺参精清洗干净,沥干水分后经胶体磨研磨匀浆,准确称取仿刺参精匀浆液10g,加入一定量的木瓜蛋白酶,混合均匀,在恒温水浴锅中进行酶解,酶解完成后立即取出,将酶解液置于100℃水浴锅中灭酶10min。

1.2.2 水解度的测定 根据三氯乙酸(TCA)方法测定水解度^[29]。取1mL酶解液加入1mL的10g/100mL的TCA,混合振荡,静止10min后,10000r/min离心10min,取上清液以双缩脲法测定可溶性蛋白含量,用凯氏定氮法测总蛋白含量^[30]。按照式(1)计算水解度(DH):

$$DH(\%) = (\rho_1 - \rho_2) / (\rho_0 - \rho_2) \times 100 \quad (1)$$

式中, ρ_1 ——反应后酶解液中可溶性蛋白含量(mg/mL); ρ_2 ——反应前仿刺参精中可溶性蛋白含量(mg/mL); ρ_0 ——仿刺参精中总蛋白含量(mg/mL)。

1.2.3 单因素研究 为了考察酶解温度、加酶量和酶解时间3个因素对水解度的影响,首先进行单因素实验。制定酶解的基本条件为:酶解温度65℃,加酶量([E/S])3%,时间5h。固定其中2个条件,改变另外1个条件,分别考察不同的影响因素,各因素取值范围如下:酶解温度分别为50,60,65,70,80℃,加酶量分别为1%,2%,3%,4%,5%,时间分别为3,4,5,6,7h。

1.2.4 响应面法优化水解条件^[31-32] 在单因素实验的基础上,以水解度为衡量指标,选取酶解温度、加酶量和时间3个因素,设计3因素3水平的响应面试验,选用木瓜蛋白酶,进行酶解条件优化。根据单因素实验结果,采用Box-Behnken设计试验,分析3个因素对水解度的影响,试验次数为

17次,其中析因部分试验次数12次,中心点重复试验次数为5次。

1.2.5 梯级肽的制备 将仿刺参精酶解液加蒸馏水稀释2倍,10000r/min离心10min,取上清液,先用普通滤纸过滤,再依次用0.45μm和0.22μm的微孔滤膜过滤。然后采用Pall Minimate超滤系统,将过滤后的仿刺参精酶解液加到超滤杯中,安装合适的切向流膜包,控制压力在20~30psig进行超滤,分别收集滤出液和截留液。选择截留分子质量为10ku的膜包超滤,超滤开始后,当超滤杯中酶解液剩余1/5时,收集过滤液,并将超滤杯中补充蒸馏水至初始体积,再次超滤,重复3次后停止超滤,收集每次过滤液(分子质量<10ku的多肽)和截留液(分子质量>10ku的蛋白质)。再分别选用截留分子质量为5ku和1ku的切向流膜包,最终制备出3种不同分子质量的多肽,将收集到的3种多肽溶液真空冷冻干燥处理。

1.2.6 抗氧化活性测定

1.2.6.1 清除·O₂⁻能力测定 模拟机体中黄嘌呤与黄嘌呤氧化酶反应系统产生·O₂⁻,加入电子传递物质及Griess显色剂,使反应体系呈紫红色,用分光光度计测其在波长550nm处的吸光度,计算出多肽对·O₂⁻的抑制能力。在反应系统中,每升样品在37℃下反应40min所抑制的·O₂⁻相当于1mg的维生素C所抑制的·O₂⁻变化值为一个活力单位。按式(2)计算:

抗超氧阴离子活力(U/L)

$$= \frac{\text{对照管吸光度} - \text{测定管吸光度}}{\text{对照管吸光度} - \text{标准管吸光度}} \times \text{标准管浓度} \\ (0.5\text{mg/L}) \times 1000 \text{mL} \times \text{样品稀释倍数} \quad (2)$$

1.2.6.2 清除·OH能力测定 利用Fenton反应产生·OH,该反应是最常见的产生·OH的化学反应,H₂O₂的量和该反应产生的·OH量成正比,当给予电子受体后,用Griess试剂显色,形成红色物质,其呈色与·OH的量成正比。按照试剂盒说明依次加样,于分光光度计波长550nm处测定各管吸光度值。每毫升样品在37℃下反应1min,使反应体系中H₂O₂浓度降低1mmol/L为1个抑制·OH能力单位。按式(3)计算:

抑制羟自由基能力(U/mL)

$$= \frac{\text{对照管吸光度} - \text{测定管吸光度}}{\text{标准管吸光度} - \text{空白管吸光度}} \times \text{标准管浓度}$$

$$(8824 \text{ mmol/L}) \times \frac{1 \text{ mL}}{\text{取样量}} \times \text{样品稀释倍数} \quad (3)$$

1.2.7 统计方法 每组试验均重复3次, 使用Design Expert 8.0软件进行方差分析(ANOVA)并求解回归方程, $P < 0.05$ 差异性显著。

2 结果与分析

2.1 单因素对仿刺参精酶解的影响

由图1a可知, 随着温度升高, 仿刺参精的水解度呈上升趋势, 在70℃时水解度达到最高; 继续升高温度, 水解度开始下降。木瓜蛋白酶在70℃时有很高的活力, 同时高温激活了仿刺参精中某些自溶酶, 促进了仿刺参精蛋白的降解, 从而使70℃时仿刺参精的水解度达到最高。如果继续升高温度会增加加热成本, 也会对木瓜蛋白酶造成一定程度的变性影响, 因此将木瓜蛋白酶最佳温度控制在70℃左右。

酶与底物的比例对水解度也有显著影响。如图1b所示, 当加酶量由1%增加到4%时, 水解度随着加酶量的增加而升高, 当加酶量增加到5%时, 水解度变化不大。此时底物已经接近饱和, 再增大加酶量难以使水解度有明显的提高, 且增大加酶量会使生产成本增加, 因此木瓜蛋白酶最佳加酶量控制在4%左右。

由图1c可知, 反应4 h时水解度最高, 随着时间的延长, 水解度呈下降趋势。这可能是由于开始时酶与底物充分反应, 使水解度升高, 随着时间的延长, 可能会出现过度酶解现象, 多肽分解为氨基酸从而导致水解度下降, 因此, 最佳酶解时间控制在4 h左右。

根据上述单因素实验的结果, 暂定如下参数条件: 用木瓜蛋白酶水解仿刺参精时, 适宜的酶解温度为70℃, 加酶量4%, 反应时间4 h。

2.2 回归模型建立及响应面分析

基于单因素实验结果, 考察酶解温度(X_1)、加酶量(X_2)和时间(X_3)3个变量对水解度的影响, 计算二阶多项式方程的系数。响应面试设计及结果见表1。水解度对应的回归方程为:

$$Y = 42.91 - 0.40X_1 + 3.53X_2 - 1.54X_3 + 1.37X_1X_2 + 0.97X_1X_3 - 0.18X_2X_3 - 1.67X_1^2 - 4.22X_2^2 - 6.44X_3^2 \quad (4)$$

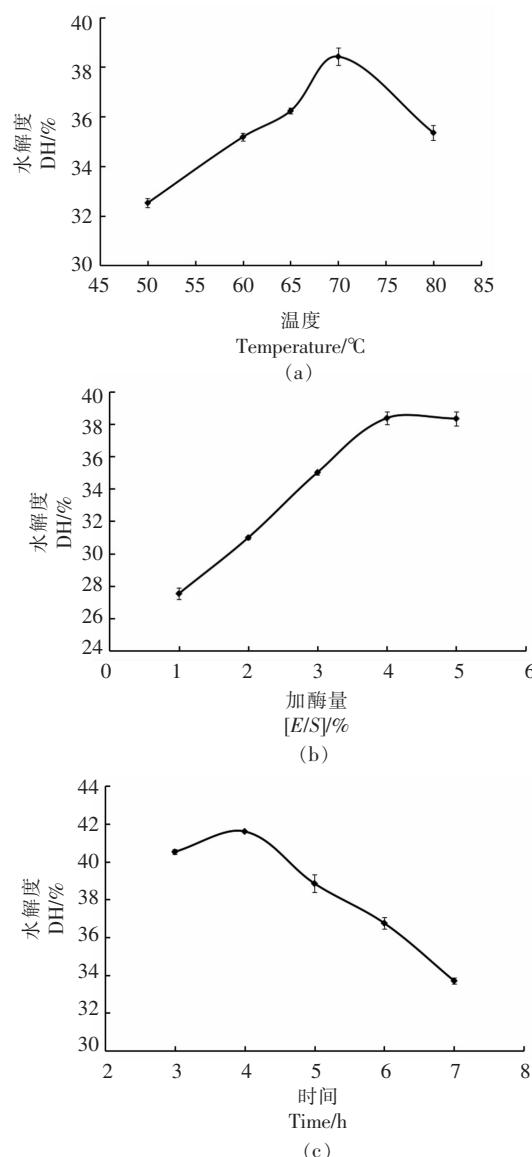


图1 温度(a)、加酶量(b)和时间(c)对水解度的影响

Fig.1 Effects of temperature (a), [E/S] (b), and time on DH (c)

利用Design Expert软件对表1的试验结果进行二次多元回归拟合, 并进行方差分析, 结果如表2所示。回归方程中各变量对响应值影响的显著性, 由F检验来判定, 概率P值越小, 则相应变量的显著程度越高, $P < 0.05$ 表示变量项显著, $P > 0.1$ 则代表变量项不显著。由表2可知, 本试验所选二次项模型F值为43.89, 具有高度显著性($P < 0.0001$)。在所有变量中, X_2 、 X_3 、 X_1X_2 、 X_1^2 、 X_2^2 和 X_3^2 对应的P值均小于0.05, 说明其对试验结果影响显著。F值为0.31表明失拟项的影响不显著。复相

表1 响应面试验设计及结果

Table 1 Box-Behnken design and results

| 编号 | X_1 (温度/ ℃) | X_2 (加酶 量/%) | X_3 (时间/ h) | 水解度/% | 编号 | X_1 (温度/ ℃) | X_2 (加酶 量/%) | X_3 (时间/ h) | 水解度/% |
|----|------------------|-------------------|------------------|-------|----|------------------|-------------------|------------------|-------|
| 1 | 65 | 3 | 4 | 35.05 | 10 | 70 | 5 | 3 | 37.21 |
| 2 | 75 | 3 | 4 | 31.18 | 11 | 70 | 3 | 5 | 27.64 |
| 3 | 65 | 5 | 4 | 40.12 | 12 | 70 | 5 | 5 | 33.61 |
| 4 | 75 | 5 | 4 | 41.73 | 13 | 70 | 4 | 4 | 43.70 |
| 5 | 65 | 4 | 3 | 37.45 | 14 | 70 | 4 | 4 | 43.92 |
| 6 | 75 | 4 | 3 | 35.05 | 15 | 70 | 4 | 4 | 42.00 |
| 7 | 65 | 4 | 5 | 32.60 | 16 | 70 | 4 | 4 | 41.21 |
| 8 | 75 | 4 | 5 | 34.09 | 17 | 70 | 4 | 4 | 43.70 |
| 9 | 70 | 3 | 3 | 30.52 | | | | | |

关系数 R^2 为 0.9826, 表明水解度的变化有 98.26% 来源于所选变量, 并且 0.9257 的预测相关系数与校正相关系数 0.9602 值相吻合, 因此, 回归方程可以很好地描述各变量与响应值之间的关系, 可以用该回归方程确定最佳水解条件。此外, 信噪比大于 4 时所建立的模型可信, 本试验的信

噪比为 19.768 远大于 4, 进一步说明该试验模型可靠, 可以很好地反应水解度与温度、加酶量和时间之间的关系。在所选取的因素水平范围内, 各变量对试验结果的影响作用依次为: 加酶量>时间>温度。

表2 响应面试验方差分析

Table 2 ANOVA for DH response surface quadratic model

| 方差来源 | 平方和 | 自由度 | 均方 | F 值 | P 值 | 显著性 |
|-------------|--------|-----|--------|--------|----------|-----|
| 模型 | 415.59 | 9 | 46.18 | 43.89 | < 0.0001 | 极显著 |
| X_1 (温度) | 1.26 | 1 | 1.26 | 1.19 | 0.3107 | |
| X_2 (加酶量) | 99.97 | 1 | 99.97 | 95.01 | < 0.0001 | |
| X_3 (时间) | 18.88 | 1 | 18.88 | 17.94 | 0.0039 | |
| X_1X_2 | 7.51 | 1 | 7.51 | 7.14 | 0.0319 | |
| X_1X_3 | 3.78 | 1 | 3.78 | 3.60 | 0.0998 | |
| X_2X_3 | 0.13 | 1 | 0.13 | 0.12 | 0.7359 | |
| X_1^2 | 11.70 | 1 | 11.70 | 11.12 | 0.0125 | |
| X_2^2 | 74.96 | 1 | 74.96 | 71.24 | < 0.0001 | |
| X_3^2 | 174.72 | 1 | 174.72 | 166.05 | < 0.0001 | |
| 残差 | 7.37 | 7 | 1.05 | | | |
| 失拟项 | 1.38 | 3 | 0.46 | 0.31 | 0.8202 | 不显著 |
| 纯误差 | 5.99 | 4 | 1.50 | | | |
| 总和 | 422.96 | 16 | | | | |
| 负相关系数 | 0.9826 | | | | | |
| 校正相关系数 | 0.9602 | | | | | |
| 预测相关系数 | 0.9257 | | | | | |
| 信噪比 | 19.768 | | | | | |

通过固定 1 个变量值, 考察另外 2 个变量对水解度的影响来绘制响应面图, 温度、加酶量和时间对水解度的影响结果如图 2 所示。随着变量的

改变, 水解度首先呈上升的趋势, 当到达最高点后开始下降。温度和加酶量同时改变引起的水解度下降, 可归因于随着温度的升高, 对酶活性产生抑

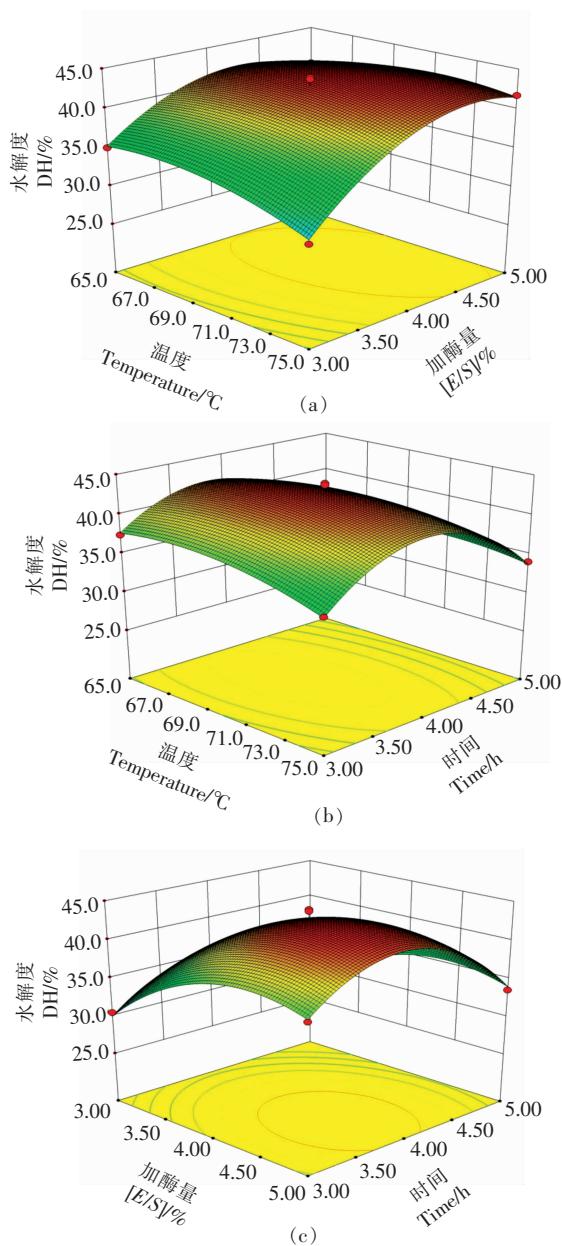


图2 温度与加酶量(a)、温度与时间(b)、加酶量与时间(c)交互作用对水解度的影响

Fig. 2 Interaction effects of temperature and [E/S] (a), temperature and time (b), and [E/S] and time (c) on DH

制作用,以及加酶量增大后,酶与底物浓度逐渐达到饱和。加酶量和时间改变导致的水解度下降,可能是由于随着时间的延长,酶变性从而使活性降低^[33]。据文献报道,响应面底部呈现椭圆形的等高线,表明该变量交互作用显著^[34],试验结果表明,

温度和加酶量的交互作用最强。该响应面图在预测水解度和两个组合变量之间的显著交互作用方面显示出极高的准确性,结果与回归模型一致。

根据分析结果,得到最佳水解条件为:温度为70.10 °C、加酶量4.43%、反应时间3.88 h时,预测的最高水解度为43.75%。考虑到实际操作的便利性,将最佳水解条件修正为:温度70 °C、加酶量4%、时间4 h,在此条件下,得到的水解度为43.18%。与预测值相比,相对误差仅为1.30%。这表明所建立的回归方程能够很好地反映温度、加酶量和时间对仿刺参精水解度的影响,通过该优化模型可以有效地改善水解度。

2.3 梯级肽的分布

使用 Pall Minimate 超滤系统,最终得到分子质量范围分别为1 ku,1~5 ku 和5~10 ku 的3种仿刺参精多肽,分别命名为P1、P2 和 P3。

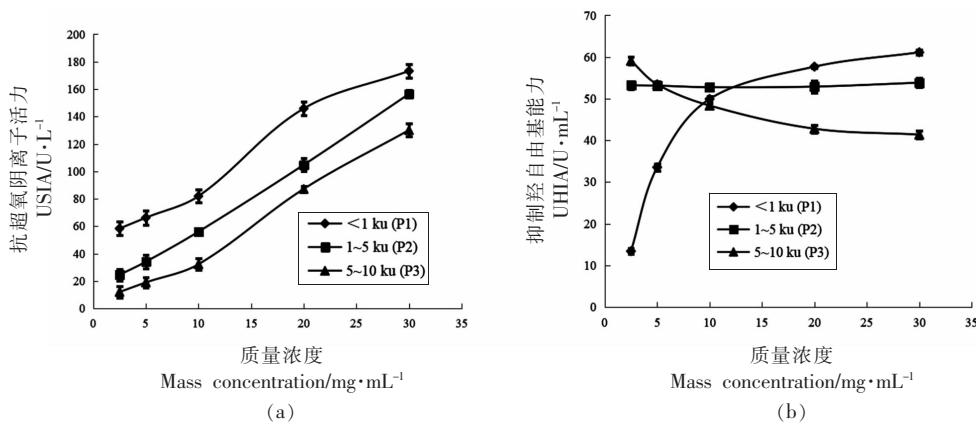
2.4 清除·O₂⁻和·OH能力

在模拟生理条件下(pH 7.4,37 °C),测试了仿刺参精多肽对·O₂⁻和·OH的清除能力。如图3a所示,仿刺参精多肽清除·O₂⁻的能力在试验浓度范围内具有较强的浓度依赖性,随着浓度的升高其清除·O₂⁻能力不断增强。3种多肽对·O₂⁻的清除能力表现出比较显著的差异,分子质量越低的肽段,清除·O₂⁻的能力越强,强度依次为P1>P2>P3。

如图3b所示,不同分子质量的仿刺参精多肽对·OH的清除能力差异较大。在低浓度范围内,3种多肽清除·OH的能力与其分子质量密切相关。质量浓度为2.5~5 mg/mL时,分子质量<1 ku的多肽P1的活性远低于P2和P3。P1对·OH的清除能力具有很强的浓度依赖性,随着质量浓度的增加,P1的活性迅速增强,分别在约12 mg/mL和10 mg/mL时超过P2和P3。而P2和P3在试验质量浓度范围内均保持较高的活性,随着质量浓度的增加,P2的活性变化不大,P3的活性略有下降。研究结果表明,P1、P2 和 P3 均具有较好的清除·OH的能力,表明它们具有较好的抗氧化活性。

3 结论

综上所述,酶解温度、加酶量和时间对仿刺参精的水解程度有显著的影响。通过单因素实验和响应面法,确定的最佳水解条件为温度70 °C,加

图3 仿刺参精多肽清除 $\cdot\text{O}_2^-$ (a)和 $\cdot\text{OH}$ (b)能力Fig.3 Scavenging effects of peptides from *Aj* sperm against $\cdot\text{O}_2^-$ (a) and $\cdot\text{OH}$ (b)

酶量4.4%，水解时间4 h。从酶解液中分离得到的3种不同分子质量范围的多肽，对 $\cdot\text{O}_2^-$ 和 $\cdot\text{OH}$ 均表现出比较好的清除能力。其中，分子量1 ku的多肽P1抗氧化活性最好。本研究可为仿刺参副产物的高值化提供一定的参考依据。

参 考 文 献

- [1] MASRE S F. Profiles and biological values of sea cucumbers: A mini review[J]. *Life Sciences, Medicine and Biomedicine*, 2018, 2(4): 25.
- [2] KARIYA Y, MULLOY B, IMAI K, et al. Isolation and partial characterization of fucan sulfates from the body wall of sea cucumber *Stichopus japonicus* and their ability to inhibit osteoclastogenesis[J]. *Carbohydrate Research*, 2004, 339(7): 1339~1346.
- [3] LIU X, SUN Z, ZHANG M, et al. Antioxidant and antihyperlipidemic activities of polysaccharides from sea cucumber *Apostichopus japonicus* [J]. *Carbohydrate Polymers*, 2012, 90(4): 1664~1670.
- [4] PARK S Y, LIM H K, LEE S, et al. Pepsin-solubilised collagen (PSC) from Red Sea cucumber (*Stichopus japonicus*) regulates cell cycle and the fibronectin synthesis in HaCaT cell migration[J]. *Food Chemistry*, 2012, 132(1): 487~492.
- [5] YANG J, WANG Y, JIANG T, et al. Depolymerized glycosaminoglycan and its anticoagulant activities from sea cucumber *Apostichopus japonicus* [J]. *International Journal of Biological Macromolecules*, 2015, 100(72): 699~705.
- [6] YANG J, WANG Y, JIANG T, et al. Novel branch patterns and anticoagulant activity of glycosaminoglycan from sea cucumber *Apostichopus japonicus* [J]. *International Journal of Biological Macromolecules*, 2015, 100(72): 911~918.
- [7] WANG Y, TIAN M, CHANG Y, et al. Investigation of structural proteins in sea cucumber (*Apostichopus japonicus*) body wall[J]. *Scientific Reports*, 2020, 10(1): 18744.
- [8] YANG D, LIN F, HUANG Y, et al. Separation, purification, structural analysis and immune-enhancing activity of sulfated polysaccharide isolated from sea cucumber viscera[J]. *International Journal of Biological Macromolecules*, 2020, 155(11): 1003~1018.
- [9] HU S, XU Y, GAO X, et al. Long-chain bases from sea cucumber alleviate obesity by modulating gut microbiota[J]. *Marine Drugs*, 2019, 17(8): 455.
- [10] SUN W H, LENG K L, LIN H, et al. Analysis and evaluation of chief nutrient composition in different parts of *Stichopus japonicus* [J]. *Chinese Journal of Animal Nutrition*, 2010, 22(1): 212~220.
- [11] ZHANG J, WANG M, MA J, et al. Nutrient composition of *Apostichopus japonicas* gonad [J]. *Food Science*, 2013, 34(14): 232~236.
- [12] GRIMBLE G K, REES R G, KEOHANE P P, et al. Effect of peptide chain length on absorption of egg protein hydrolysates in the normal human jejunum[J]. *Gastroenterology*, 1987, 92(1): 136~142.
- [13] CLEMENTE A. Enzymatic protein hydrolysates in human nutrition[J]. *Trends in Food Science & Technology*, 2000, 11(7): 254~262.

- [14] KITTS D D, WEILER K. Bioactive proteins and peptides from food sources. Applications of bioprocesses used in isolation and recovery [J]. Current Pharmaceutical Design, 2003, 9(16): 1309–1323.
- [15] ABAYOMI A. GFSKLYFamide-like neuropeptide is expressed in the female gonad of the sea cucumber, *Holothuria scabra*[J]. Journal of Cell and Animal Biology, 2020, 14(1): 1–5.
- [16] MILLER D M, BUETTNER G R, AUST S D. Transition metals as catalysts of "autoxidation" reactions[J]. Free Radical Biology and Medicine, 1990, 8(1): 95–108.
- [17] CADENAS E, SIES H. The lag phase[J]. Free radical research, 1998, 28(6): 601–609.
- [18] VALKO M, MORRIS H, CRONIN M T D. Metals, toxicity and oxidative stress [J]. Current Medicinal Chemistry, 2005, 12(10): 1161–1208.
- [19] KOVACIC P, POZOS R S, SOMANATHAN R, et al. Mechanism of mitochondrial uncouplers, inhibitors, and toxins: Focus on electron transfer, free radicals, and structure–activity relationships[J]. Current Medicinal Chemistry, 2005, 12(22): 2601–2623.
- [20] MOON J K, SHIBAMOTO T. Antioxidant assays for plant and food components[J]. Journal of Agricultural and Food Chemistry, 2009, 57(5): 1655–1666.
- [21] SHAO M Y, ZHANG Z F, YU L, et al. Cryopreservation of sea cucumber *Apostichopus japonicus* (Selenka) sperm [J]. Aquaculture Research, 2006, 37(14): 1450–1457.
- [22] ZHONG C, SUN L C, YAN L J, et al. Production, optimisation and characterisation of angiotensin converting enzyme inhibitory peptides from sea cucumber (*Stichopus japonicus*) gonad[J]. Food & Function, 2018, 9(1): 594–603.
- [23] SAFARI R, YAGHOUBZADEH Z. Antioxidant activity of bioactive peptides extracted from sea cucumber (*Holothuria leucospilata*) [J]. International Journal of Peptide Research and Therapeutics, 2020, 26(4): 2393–2398.
- [24] WANG S Q, LIU F X, WU J, et al. Study on optimization of extraction process and resistance to oxidation of polypeptide from sea cucumber waste liquid[C]/IOP Conference Series: Earth and Environmental Science. England Bristol: IOP Publishing, 2020, 559(1): 012025.
- [25] YIN P, JIA A, HEIMANN K, et al. Hot water pretreatment –induced significant metabolite changes in the sea cucumber *Apostichopus japonicus*[J]. Food Chemistry, 2020, 314: 126211.
- [26] SENADHEERA T R L, DAVE D, SHAHIDI F. Antioxidant potential and physicochemical properties of protein hydrolysates from body parts of North Atlantic sea cucumber (*Cucumaria frondosa*)[J]. Food Production, Processing and Nutrition, 2021, 3(1): 3.
- [27] ZHANG X, LI H, WANG L, et al. Anti - inflammatory peptides and metabolomics - driven biomarkers discovery from sea cucumber protein hydrolysates [J]. Journal of Food Science, 2021, 86(16): 3540–3549.
- [28] ARCAN I, YEMENICIOGLU A. Effects of controlled pepsin hydrolysis on antioxidant potential and fractional changes of chickpea proteins[J]. Food Research International, 2010, 43(1): 140–147.
- [29] YVON M, CHABANET C, PÉLISSIER J P. Solubility of peptides in trichloroacetic acid (TCA) solutions hypothesis on the precipitation mechanism[J]. International Journal of Peptide and Protein Research, 1989, 34(3): 166–176.
- [30] SHRIVASTAW K P, JHAMBA S S, KUMAR A. Quantitation of the protein content of diphtheria and tetanus toxoids by the Biuret method during production of combined vaccines[J]. Biologicals, 1995, 23 (1): 61–63.
- [31] KAUR S, SARKAR B C, SHARMA H K, et al. Optimization of enzymatic hydrolysis pretreatment conditions for enhanced juice recovery from guava fruit using response surface methodology[J]. Food and Bioprocess Technology, 2009, 2(1): 96–100.
- [32] MUDGIL D, BARAK S, KHATKAR B S. Optimization of enzymatic hydrolysis of guar gum using response surface methodology[J]. Journal of Food Science and Technology, 2014, 51(8): 1600–1605.
- [33] DADZIE R G, MA H, ABANO E E, et al. Optimization of process conditions for production of angiotensin I-converting enzyme (ACE) inhibitory peptides from vital wheat gluten using response surface methodology [J]. Food Science and Biotechnology, 2013, 22(6): 1531–1537.
- [34] LIN S, GUO Y, YOU Q, et al. Preparation of antioxidant peptide from egg white protein and im-

provement of its activities assisted by high - intensity pulsed electric field[J]. Journal of the Science of

Food and Agriculture, 2012, 92(7): 1554–1561.

Optimization of Enzymatic Hydrolysis of *Apostichopus japonicus* Sperm and Antioxidant Activity of Hydrolysate

Sun Xiaofei^{1,2}, Luo Guorui¹, Li Yingmei³, Zhang Yuxi¹, Gong Huihui¹, Zhu Wenhui¹, Li Jianrong¹, Li Xuepeng^{1*}

(¹College of Food Science and Engineering, Bohai University, Jinzhou 121013, Liaoning

²Jiangsu Key Laboratory of Marine Bioresources and Environment, Jiangsu Ocean University, Lianyungang 222000, Jiangsu

³Dalian Food (Jinzhou) Co., Ltd, Jinzhou 121200, Liaoning)

Abstract As sea cucumber gonad, *Apostichopus japonicus* (Aj) sperm is rich in protein, polysaccharide and many kinds of active substances. It was collected separately and enzymatically hydrolyzed to develop new marine active peptides. In this paper, papain was chosen for enzymatic hydrolysis and the degree of hydrolysis (DH) was selected as the evaluation standard. The optimal hydrolysis conditions were confirmed through one-factor-at-a-time study and response surface methodology. By using the enzyme-to-substrate ratio at 4.4%, the DH could reach 43.18% in 4 h at 70 °C. Thereafter, cascade peptides (1 ku, 1–5 ku, and 5–10 ku) were isolated from hydrolysate using Pall Minimate ultrafiltration system and were evaluated as the superoxide radical ($\cdot\text{O}_2^-$) and hydroxy radical ($\cdot\text{OH}$) scavengers. The antioxidant assays showed that the peptides of 1 ku molecular weight exhibited the best $\cdot\text{O}_2^-$ scavenging activity. Therefore, the hydrolysate of Aj sperm might be used as a potential antioxidant peptides source for nutraceutical, pharmaceutical and cosmetics industries.

Keywords *Apostichopus japonicus* sperm; enzymatic hydrolysis; response surface methodology; antioxidant activity